

**Certificat d'Analyse(s)**

**Annule et remplace Dossier  
250331002106 04 du 22/05/2025**

**Propriétaire :** CARVIN Sophie

**Elevage :** 48772

**Demandeur :** CARVIN Sophie

**Organisation :**

**Préleveur :** MICHEL Amélie (20506)

**CARVIN Sophie**

2078b Chemin du Rouve

83330 LE BEAUSSET

**Date de prélèvement :** 28/03/2025

**Nombre de prélèvements :** 1

**Espèce :** CHAT

**Date de naissance :** 20/02/2025

**Date de réception :** 31/03/2025

**Nature des prélèvements :** Sang

**Race :** RAG - Ragdoll

**Sexe :** Mâle

**Polykystose rénale (PKD)**

**Date d'exécution :** 20/05/2025

| Identification                                                                       | Autres informations | Résultat     |
|--------------------------------------------------------------------------------------|---------------------|--------------|
| 5 Code ADN : FC82785<br>Nom : ALABAMA DE RAG S<br>PARADISE<br>Puce : 250269101171954 |                     | NORMAL (+/+) |

La présence de la mutation c.10063C>A présente sur le gène PKD1 est recherchée.

Cette mutation est responsable de la polykystose rénale (PKD) chez de nombreuses races de chats, incluant : Persans, Exotics, British shorthair et longhair, Burmillas, Scottish fold, Highland fold, Selkirk, Ragdoll, et races apparentées. Le laboratoire décline toute responsabilité quant à l'interprétation d'un résultat de cette analyse réalisée sur une autre race que celles listées ci-dessus.

Pour des raisons de pertinence, ne seront mentionnés sur les pedigrees que les résultats des pathologies répertoriées pour la race telles qu'elles ont été validées par le conseil scientifique du LOOF. Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

**Commentaires / conclusions :** Suite à une rectification de certaines données du rapport d'analyses que vous avez précédemment reçu, une nouvelle version vous est envoyée. Ce nouveau rapport annule et remplace le précédent. Ce dernier est à nous retourner ou à détruire par vos soins. Modifications apportées : Changement de propriétaire - Motif : Modification du propriétaire.

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.

La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

**Fait à Loudéac, le 02/06/2026**

Olivier Yvernogean

Technicien service Biologie Moléculaire



**Certificat d'Analyse(s)**

**Annule et remplace Dossier  
250331002106 04 du 22/05/2025**

**Propriétaire :** CARVIN Sophie

**Elevage :** 48772

**Demandeur :** CARVIN Sophie

**Organisation :**

**Préleveur :** MICHEL Amélie (20506)

**CARVIN Sophie**

2078b Chemin du Rouve

83330 LE BEAUSSET

**Date de prélèvement :** 28/03/2025

**Nombre de prélèvements :** 1

**Espèce :** CHAT

**Date de naissance :** 20/02/2025

**Date de réception :** 31/03/2025

**Nature des prélèvements :** Sang

**Race :** RAG - Ragdoll

**Sexe :** Mâle

**Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-RG)**

**Date d'exécution :** 20/05/2025

| Identification                                                                       | Autres informations | Résultat     |
|--------------------------------------------------------------------------------------|---------------------|--------------|
| 5 Code ADN : FC82785<br>Nom : ALABAMA DE RAG S<br>PARADISE<br>Puce : 250269101171954 |                     | NORMAL (+/+) |

*La présence de la mutation R820W présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.*

*Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Ragdoll.*

*Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.*

*Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.*

*NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

*PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation*

*ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint*

**Commentaires / conclusions :** Suite à une rectification de certaines données du rapport d'analyses que vous avez précédemment reçu, une nouvelle version vous est envoyée. Ce nouveau rapport annule et remplace le précédent. Ce dernier est à nous retourner ou à détruire par vos soins. Modifications apportées : Changement de propriétaire - Motif : Modification du propriétaire.

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.*

*La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 02/06/2026**

Olivier Yvernogean

Technicien service Biologie Moléculaire

